

<b>INTERPRETATION TABLE</b>								
<b>HLA-A*74 SSP subtyping</b>								
<b>Amplification patterns of the A*7401 to 7412N alleles</b>								
	<b>Well</b>							
	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>7</b>	<b>8</b>
<b>Length of spec.</b>	<b>160</b>	<b>285</b>	<b>285</b>	<b>135</b>	<b>230</b>	<b>155</b>	<b>150</b>	<b>115</b>
<b>PCR product</b>								
<b>Length of int.</b>	<b>800</b>	<b>1070</b>	<b>1070</b>	<b>1070</b>	<b>800</b>	<b>800</b>	<b>800</b>	<b>1070</b>
<b>pos. control<sup>1</sup></b>								
<b>5'-primer<sup>2</sup></b>	<b>180</b>	<b>67</b>	<b>67</b>	<b>144</b>	<b>98</b>	<b>180</b>	<b>180</b>	<b>448</b>
	5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-CTT <sup>3'</sup>	5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>
<b>3'-primer(s)<sup>3</sup></b>	<b>299</b>	<b>180</b>	<b>180</b>	<b>240</b>	<b>289</b>	<b>292</b>	<b>290</b>	<b>523</b>
	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-TCA <sup>3'</sup>	5'-TCA <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-AgC <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-ACT <sup>3'</sup>
	<b>299</b>							
	5'-CCA <sup>3'</sup>							
<b>Well No.</b>	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>7</b>	<b>8</b>
<b>HLA-A allele</b>								
<b>*7401</b>	<b>1</b>	<b>2</b>						
<b>*7402</b>	<b>1</b>		<b>3</b>					
<b>*7403</b>	<b>1</b>	<b>2</b>						
<b>*7404</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>	<b>4</b>				
<b>*7405</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>		<b>5</b>			
<b>*7406</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>			<b>6</b>		
<b>*7407</b>	<b>1</b>		<b>3</b>				<b>7</b>	
<b>*7408</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>					<b>8</b>
<b>*7409</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>					
<b>*7410</b>		<b>?</b>	<b>?</b>					
<b>*7411</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>					
<b>*7412N</b>	<b>1</b>	<b>?</b>	<b>?</b>					
<b>*020109, 023503, 0323, 260702, 3308, 3309, 6830</b>				<b>4</b>				
<b>*030103</b>				<b>w</b>				
<b>*29010101-2903, 2911, 320101-3202, 3205</b>			<b>3</b>					
<b>*2904-2910, 2912-2917, 3203, 3206-3216</b>			<b>?</b>					
<b>HLA-A allele</b>								
<b>Well No.</b>	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>7</b>	<b>8</b>

<b>INTERPRETATION TABLE</b>					
<b>HLA-A*74 SSP subtyping</b>					
<b>Amplification patterns of the A*74 alleles</b>					
<b>Well</b>					
<b>9</b>	<b>10</b>	<b>11</b>	<b>12</b>	<b>13</b>	
<b>170</b>	<b>225</b>	<b>200</b>	<b>130</b>	<b>215</b>	<b>Length of spec.</b>
					<b>PCR product</b>
<b>800</b>	<b>1070</b>	<b>800</b>	<b>1070</b>	<b>1070</b>	<b>Length of int.</b>
					<b>pos. control<sup>1</sup></b>
<b>180</b>	<b>113</b>	<b>180</b>	<b>211</b>	<b>364</b>	<b>5'-primer<sup>2</sup></b>
5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-AgT <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>	
<b>308</b>	<b>299</b>	<b>341</b>	<b>299</b>	<b>538</b>	<b>3'-primer(s)<sup>3</sup></b>
5'-TCg <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CgT <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	
<b>9</b>	<b>10</b>	<b>11</b>	<b>12</b>	<b>13</b>	<b>Well No.</b>
					<b>HLA-A allele</b>
					<b>*7401</b>
					<b>*7402</b>
<b>9</b>					<b>*7403</b>
					<b>*7404</b>
					<b>*7405</b>
					<b>*7406</b>
					<b>*7407</b>
					<b>*7408</b>
	<b>10</b>				<b>*7409</b>
		<b>11</b>			<b>*7410</b>
			<b>12</b>		<b>*7411</b>
				<b>13</b>	<b>*7412N</b>
					<b>*020109, 023503, 0323, 260702, 3308, 3309, 6830</b>
					<b>*030103</b>
					<b>*29010101-2903, 2911, 320101-3202, 3205</b>
					<b>*2904-2910, 2912-2917, 3203, 3206-3216</b>
					<b>HLA-A allele</b>
<b>9</b>	<b>10</b>	<b>11</b>	<b>12</b>	<b>13</b>	<b>Well No.</b>